

中国人类遗传资源 共性信息描述规范及编码标准

Description and Coding Criteria for
the Particular Information of Chinese Genetic Resources

中国人类遗传资源平台项目组

二零零六年七月

相关信息

版权所有：中国人类遗传资源平台

电话：86-10-62179059

邮件：nicgr@egene.org.cn

主题：中国人类遗传资源信息描述规范

名称：人类遗传资源共性信息描述规范及编码标准

编号：NIPCGR- DCI-01

www.egene.org.cn

前言

为了确保中国人类遗传资源信息能有序、准确并有效地进入数据库保存、管理，特制定《人类遗传资源共性信息描述规范及编码标准》，以统一人类遗传资源的描述体系、分类编码，便于人们对人类遗传资源的长期保存与信息共享。

本规范是中国人类遗传资源共享平台建设的子课题，通过这一规范的制定，使其与其他人类遗传资源规范一起，为各类人类遗传资源的收录、保存提供依据。

本规范为第一次制定。

目 录

引 言	1
1. 范围	2
2. 规范性引用文件	3
3. 术语和定义	4
4. 编写方法	6
5.1 描述信息分类要求	6
5.2 描述符编码	6
5. 人类遗传资源共性描述表	7
6. 人类遗传资源共性描述字段说明表	8
7. 人类遗传资源共性描述	10
7.1 护照信息	10
7.2 标记信息	10
7.3 基本特征特性描述信息	11
7.4 其它描述信息	12
7.5 收藏单位信息	12
7.6 共享信息	12
8. 附录A（规范性附录）：字段代码表	14
9. 附录B（参考性附录）：人类遗传资源描述示例表	20

引 言

根据国家自然科技资源平台建设的总体目标，研究制定国家自然科技资源平台人类遗传资源共性描述规范，以整合我国人类遗传资源，规范人类遗传资源采集、保存、评价、研究和利用，实现人类遗传资源的充分共享和可持续发展。

www.egene.org.cn

www.egene.org.cn

1. 范围

本规范规定了人类遗传资源统一的共性描述体系、分类编码和指标项说明。

本规范适用于全国各地区收集整理保存人类遗传资源的研究机构、大专院校、企业等对样本进行规范描述，进行数据库间的信息交换和资源共享。

www.egene.org.cn

www.egene.org.cn

2. 规范性引用文件

下列文件中的条款通过本规范的引用而成为本规范的条款。凡是注日期的引用文件，其随后所有的修改单（不包括勘误的内容）或修订版均不适用于本规范，然而，鼓励根据本规范达成协议的各方研究使用这些文件的最新版本。凡是不注日期的引用文件，其最新版本适用于本规范。

ICD-10 疾病和有关健康问题地国际统计分类

GB/T 2261.1-2003 人的性别代码

GB/T 3304-91 中国各民族名称罗马字母拼写法和代码

GB/T 2659 世界各国和地区名称代码

GB/T 2260 全国县及县级以上行政区划代码表

GB/T 12404 单位隶属关系代码

GB/T 2261.3-2003 健康状况代码

GB/T 7408 数据元交换格式 信息交换日期和时间表示法（GB/T 7408-1994，eqv ISO 8601:1998）

3. 术语和定义

下列术语和定义适用于本规范。

4.1 人类遗传资源 human genetic resource

人类遗传资源是指收集的含有人体基因组、基因及其产物的器官、组织、细胞、血液、制备物、重组脱氧核糖核酸（DNA）构建体等遗传材料。

4.2 知情同意 informed consent

在以人为研究/试验对象的科研领域，资源样本收集者必须使被收集者了解并理解研究/试验的目的和内容，并自愿同意参加研究/试验的原则。知情同意在保护被收集者合法权利的同时也保护收集者免于诉讼。

4.3 样本 sample

为了开展研究工作，收集的人体各种组织器官，如：血液、皮肤、骨髓、肌肉、毛发、分泌物、内脏器官等所有类型的标本。

4.4 护照信息 passport information

样本的标识信息，在人类遗传资源平台中是指每份样本信息在这个平台样本中的 ID（identification）号，每份样本均有其一组的信息编号。包括：平台资源号、资源编号、源数据主键

4.5 平台资源号 No. of national infrastructure resource

指资源样本在国家自然科技资源平台内的编号，该编号由 E 平台统一规范制定，由资源大类，单位编码和资源流水号构成，人类遗传资源平台资源号为 1711Cxxxxxxxxxxxx。

4.6 资源编号 No. of resource

人类遗传资源平台为了自身数据的管理，设置的编号，其目的是为了能够给每份样本一个唯一的编号，便于管理。

4.7 资源归类 rank of resource

指资源在 E 平台中的详细归类，应遵循制定的资源归类编码。

4.8 资源分类 classify of resource

根据资源特征在人类遗传资源平台内的分类。

4.9 样本类型 type of sample

根据样本本身的特性对资源进行分类，人类遗传资源样本按照其本身的性质可以分为：大体标本、组织、血液、精液、分泌物、细胞混悬液、排泄物、干细胞、其它等类。

4.10 保存期限 period of validity

指资源样本在保存条件下有效的的时间期限，时间计算格式采用“月”为单位计算。

4.11 实物状态 status of sample

指资源样本目前的可用状态，分为可用和不可用。

4.12 生物安全 security of sample

指资源对于人体的安全性，分为有传染性和无传染性。

4.13 资源用途 purpose of resource

资源采集的目的，分为科研用途和临床治疗用。

4.14 性别 sex

就是我们日常称呼的男性(male)与女性(female)，一般指具有 XY 染色体者为男性，具有 XX 染色体者为女性。

4.15 籍贯 native place

本人出生或祖居地

4.16 民族 nationality

民族是人们在历史上形成的有共同语言、共同地域、共同经济生活以及表现于共同的民族文化特点上的共同心理素质这四个基本特征的稳定的共同体。

4.17 健康状况 health status

是指对个体生理、心理及社会适应三个方面状况的综合评价

4.18 诊断资料 diagnoses information

指用于判断个体健康状况，疾病发生的病史、体征、体格检查、实验室检查和辅助诊断结果的材料。

4.19 治疗资料 intervention information

记录对资源采集对象身体状况进行改善的资料。在临床上对患者疾病进行治疗的记录，包括药物使用、手术治疗、理化治疗、心理治疗等信息。

4.20 流行病学资料 epidemiology information

指在疾病研究时，采集的对疾病发生有关联的资料，例如吸烟、饮酒、接触高危因素等资料，同时包括该疾病相应的流行病学指标资料，例如发病率、死亡率等。

4.21 随访资料 follow-up information

是指跟踪服务对象，进行指导、服务并记录的相关资料。

4.22 共享方式 mode of share

指资源获取时协议资源使用的方式，例如：公益型共享、借用共享、合作研究共享、交换性共享等。

4. 编写方法

5.1 描述信息分类要求

按照人类遗传资源样本信息，方便信息使用者能全面直观的了解资源相关信，将信息分为 6 类：

- 1) 护照信息
- 2) 标记信息
- 3) 基本特征特性描述信息
- 4) 其它描述信息
- 5) 收藏单位信息
- 6) 共享信息

5.2 描述符编码

由描述符类别加两位顺序号组成，如“101”、“202”、“301”等。描述符的代码应是有序的。

5. 人类遗传资源共性描述表

表 1 中国人类遗传资源共性描述表

护照信息			
平台资源号 (1)		资源编号 (2)	
样本类型 (3)			
标记信息			
资源归类编码 (4)			
性别 (5)		健康状况 (6)	
资源分类 (7)		民族 (8)	
籍贯 (9)		出生年月 (10)	
基本特征特性描述信息			
用途 (11)		血型资料 (12)	
流行病学资料 (13)		诊断资料 (14)	
治疗资料 (15)		随访资料 (16)	
样本采集日期 (17)		样本保存期限 (18)	
样本保存条件 (19)		家系标本 (20)	
生物安全级别 (21)		其它补充说明 (22)	
疾病别名 (23)			
其它描述信息			
图像 (24)		记录地址 (25)	
收藏单位信息			
保存地 (26)		成果类别 (27)	
科技项目类别/经费来源 (28)			
实物状态 (29)	1: 可用 2: 不可用 3: 无实物		
共享信息			
共享方式 (30)	1: 公益性共享 2: 公益性借用共享 3: 合作研究共享 4: 知识产权性交易共享 5: 资源纯交易性共享 6: 资源租赁性共享 7: 资源交换性共享 8: 收藏地共享 9: 行政许可性共享		
获取途径 (31)	1: 邮件 2: 现场获取 3: 网上订购 4: 其它		
联系方式 (32)			
源数据主键 (33)			

6. 人类遗传资源共性描述字段说明表

表 2 人类遗传资源共性描述规范简表

序号	类别	编码	字段名称	字段说明
1	1	101	平台资源号	国家自然科技资源 e-平台统一生成的资源编号
2	1	102	资源编号	资源归类编码+单位编码+各单位资源流水号
3	1	103	样本类型	按照生物样本类型进行分类编码
4	2	201	资源归类编码	国家自然科技资源平台资源分级归类与编码标准中的编码
5	2	202	性别	按照国家标准 GB/T2261.1《人的性别代码》进行分类编码
6	2	203	健康状况	按照国家标准 GB/T2261.3《健康状况代码》进行改编
7	2	204	资源分类	根据生命科学研究领域, 结合现实保存样本类型进行分类编码
8	2	205	民族	按照国家标准 GB/T3304《中国各民族名称罗马字母拼写法和代码》编码
9	2	206	籍贯	按照国家标准 GB/T 2260-2002《中华人民共和国行政区划代码》编码
10	2	207	出生年月	按照公历填写 YYYYMMDD
11	3	301	用途	按照资源的采集目的进行划分
12	3	302	血型资料	按照该样本是否收集血型相关资料进行划分编码
13	3	303	流行病学资料	根据样本采集过程是否纪录流行病学调查方面的资料进行编码
14	3	304	诊断资料	根据研究是否可以提供诊断相关资料进行编码。例如诊断时间, 病史资料、检验项目及所对应的检测值对本遗传资源对应的生理病理状况进行编码
15	3	305	治疗资料	根据研究是否可以提供治疗相关资料进行编码。例如治疗方法、治疗药物名称、剂量、疗程等
16	3	306	随访资料	根据研究是否能够提供随访相关的资料进行编码
17	3	307	样本采集日期	表示样本采集的日期, 按照公历填写, 填写格式按照 GB/T 7408 数据元交换格式 信息交换日期和时间表示法 (GB/T 7408-1994, eqv ISO 8601: 1998) 的要求
18	3	308	样本保存期限	
19	3	309	样本保存条件	按照样本保存的温度进行分类编码
20	3	310	家系标本	按照是否同时采集家系标本进行编码
21	3	311	生物安全级别	依据样本的潜在传染性进行划分

序号	类别	编码	字段名称	字段说明
22	3	312	其它补充说明	其它需注明的相关文字信息，提供资源特性的部分信息，如样本处理方法、ATCC 号等
23	3	313	疾病别名	给出该疾病的其它名称、叫法
24	4	401	图像	资源的图像信息
25	4	402	记录地址	提供人类遗传资源资源详细信息的网址或数据库记录链接
26	5	501	保存地	根据实际入网的资源保存地点记录信息
27	5	502	成果类别	按照利用该资源所产生的成果进行分类
28	5	503	科技项目类别/经费来源	
29	5	504	实物状态	人类遗传资源实物的状态。如可用、不可用、无实物等
30	6	601	共享方式	公益性共享、公益性借用共享、合作研究共享、知识产权性交易共享、资源纯交易性共享、资源租赁性共享、资源交换性共享、收藏地共享、行政许可性共享等
31	6	602	获取途径	邮件、现场获取、网上订购等
32	6	603	联系方式	联系人/单位/邮编/电话/E-mail 等
33	6	604	源数据主键	连接人类遗传资源特性数据的主键值

7. 人类遗传资源共性描述

7.1 护照信息

7.1.1 平台资源号

国家自然科技资源 e-平台统一生成的资源编号。由资源分类（人类遗传资源代码是 17）+ 单位所在区域编号（两位，参考籍贯代码）+ 资源单位性质代码（P 个人或 C 法人）+ 资源保藏单位/人序号（4 位，由 E 平台统一给出）+ 资源流水号（9 位），例如：1711C0001000000001。

7.1.2 资源编号

分级归类编码（11 位）+ 单位编码（3 位）+ 各单位资源流水号（6 位）。

7.1.3 样本类型

目前尚无对人类遗传资源进行分类编码的国家标准或行业标准，根据目前的研究水平和涉及的领域，对资源标本进行了初步分类和编码。

样本类型的编码可划分为两个层次，第一层由三位字母和数字结合的编码组成（例 A10），表示样本采集的部位或来源；第二层由两位数字组成，表示由第一层标本进一步处理形成的样本类型。两层编码可以交叉组合，第一层在前，第二层在后组成五位代码，如果实际样本类型仅限于第一层，则在第一层对应的编码后加“00”，最终形成样本类型完整编码，即 5 位由字母和数字共同组成的编码。具体编码见附件 1。

7.2 标记信息

7.2.1 资源归类编码

国家自然科技资源平台资源分级归类与编码标准中的编码（见附录四）。

7.2.2 性别

根据国家标准人的性别代码编写，部分修改。具体编码见附件 1。

7.2.3 健康状况

人体生物标本的健康状况编码根据国家标准 GB/T4746-1984《中华人民共和国健康状况代码》，并进行了部分删改，采用 2 位数字代码。具体编码见附件 1。

7.2.4 资源分类

根据生命科学研究的重要，结合现实保存的人体生物样本类型，对人类遗传资源进行归类编码。

其中具有疾病特征的遗传资源描述采用 ICD-10，其它性状特征的遗传资源描述采用资源分类编码，具体编码见附件 1。

7.2.5 民族

2 位阿拉伯数字组成，人体生物标本涉及民族分类均采用经国家认定的民族名称，编码参考

国家标准 GB/T3304-1991《中华人民共和国各民族名称的罗马字母拼写法和代码》，补充了两个编码。具体编码见附件 1。

7.2.6 籍贯

2 位阿拉伯数字, 编码按照国家标准全国县及县级以上行政区划代码表《国家标准 GB/T 2260-1999》的前两位编写, 代码对应到省市自治区。同时补充“99”作为资料不详代码。具体编码见附件 1。

7.2.7 出生年月

日期型, 按照年月顺序编写, 即 YYYYMMDD; 对于没有相关记录者, 则记成 99999999。

7.3 基本特征特性描述信息

7.3.1 用途

根据样本资源可以使用的大体领域进行划分, 由 1 位阿拉伯数字组成。具体见附件 1。

7.3.2 血型资料

1 位阿拉伯数字, 根据研究是否能够提供与血型相关的资料进行逻辑判断, 并对字段进行赋值, 具体编码见附件 1。

7.3.3 流行病学资料

1 位阿拉伯数字, 根据研究是否能够提供与流行病学危险因素的相关资料(如环境因素、生活习惯等)进行逻辑判断, 并对字段进行赋值, 本字段主要显示该样本在采集时是否进行了流行病学设计。具体编码见附件 1。

7.3.4 诊断资料

1 位阿拉伯数字, 根据研究是否能够提供与诊断相关资料进行逻辑判断, 并对字段进行赋值。具体编码见附件 1。

7.3.5 治疗资料

1 位阿拉伯数字, 根据研究是否能够提供与疾病治疗相关资料(如服用的药物、剂量, 放疗的时间剂量等等)进行逻辑判断, 并对字段进行赋值。具体编码见附件 1。

7.3.6 随访资料

1 位阿拉伯数字, 根据研究是否能够提供对该样本提供者的随访资料进行逻辑判断, 并对字段进行赋值, 本字段可提示该样本来自队列研究。具体编码见附件 1。

7.3.7 样本采集日期

按照公历填写, 填写格式按照 GB/T 7408 数据元交换格式 信息交换日期和时间表示法(GB/T 7408-1994, eqv ISO 8601: 1998)的要求。YYYYMMDD。

7.3.8 样本保存期限

2 位阿拉伯数字, 单位为月, 按照样本实际可保存的时间进行填写, 其中 99 为永久保存。

7.3.9 样本保存条件

按照样本保存温度进行分类编码, 代码为 1 位阿拉伯数字, 具体见附件 1。

7.3.10 家系标本

1 位阿拉伯数字，根据该样本是否来源于家系进行逻辑判断，并对字段进行赋值，本字段可提示该样本能否用于家系分析。具体编码见附件 1。

7.3.11 生物安全级别

1 位阿拉伯数字，按照样本的潜在传染性进行划分，具体编码见附件 1。

7.3.12 其它补充说明

字符型，填写其它需要补充说明的相关资料，如样本处理方式，血液样本是否使用了抗凝剂，以及使用了哪种抗凝剂处理等。

7.3.13 疾病别名

字符型，给出疾病除了 ICD-10 中记录的名称外的其它名称。

7.4 其它描述信息

7.4.1 图像

人类遗传资源的图像信息，图像格式为 .JPG。

7.4.2 记录地址

提供人类遗传资源详细信息的网址或数据库记录链接。

7.5 收藏单位信息

7.5.1 保存地

字符型，填写保存地点的名称。

7.5.2 成果类别

字符型，对利用该资源产生的成果进行描述，包括以下几个方面内容，如论文发表情况，专利申请，新产品开发研制、获奖等。

7.3 科技项目类别/经费来源

1 位阿拉伯数字，根据项目类别进行划分，具体编码见附件 1。

7.5.4 实物状态

人类遗传资源实物的状态。

1: 可用

2: 不可用

3: 无实物

7.6 共享信息

7.6.1 共享方式

- 1: 公益性共享
- 2: 公益性借用共享
- 3: 合作研究共享
- 4: 知识产权性交易共享
- 5: 资源纯交易性共享
- 6: 资源租赁性共享
- 7: 资源交换性共享
- 7: 收藏地共享
- 9: 行政许可性共享

7.6.2 获取途径

1 位阿拉伯数字，根据具体获取方式划分，具体编码见附件 1。

7.6.3 联系方式

字符型，包括联系人、单位、邮编、电话、E-mail 等。

7.6.4 源数据主键

连接人类遗传资源特性数据的主键值。

8. 附录 A（规范性附录）：字段代码表

表 3 样本类型编码

第一层码表	
大体标本 A	正常大体标本 10
	病理大体标本 20
组织 B	新鲜组织 10
	冰冻组织切片 11
	冻存组织 20
	石蜡包埋组织 30
	石蜡包埋组织切片 31
血液 C	全血 10
	全血滤纸片 11
	血清 20
	冻干血清 21
	血浆 30
	冻干血浆 31
	红细胞 40
	白细胞 50
血小板 60	
精液 D	精子 10
	精浆 20
分泌物 E	宫颈粘液 10
	颈脱落细胞 11
细胞混悬液 F	脑脊液 10
	脑脊液细胞 11
	脑脊液上清 12
	胸腔积液 20
	胸腔积液细胞 21
	胸腔积液上清 22
	心包液 30
	心包液细胞 31
	心包液上清 32
	腹腔积液 40
	腹腔积液细胞 41
	腹腔积液上清 42
	关节腔液 50
	关节腔液细胞 51
关节腔液上清 52	
排泄物 G	尿液 10
	粪便 20

干细胞 H	胚胎干细胞 10
	成体干细胞 20
	造血干细胞 21
	神经干细胞 22
其它 Z	卵细胞 10
第二层码表	
细胞系 10	
原代细胞系 11	
转化细胞系 12	
肿瘤细胞系 13	
DNA 20	
基因组 DNA 21	
线粒体 DNA 22	
cDNA 23	
RNA 30	
组织总 RNA (total) 31	
信使 RNA (mRNA) 32	
核糖体 RNA (rRNA) 33	
转运 RNA (tRNA) 34	
非编码 RNA 35	
蛋白 40	
细胞总蛋白 41	
核蛋白 42	
膜蛋白 43	
胞浆总蛋白 44	
细胞器总蛋白 45	
组织液中的蛋白 46	

表 4 性别代码表

代 码	性 别
0	未知性别
1	男 性
2	女 性
3	两 性 (新增)
9	未说明的性别

表 5 健康状况代码表

代码	健康状况	说明
10	健康或良好	
20	一般或较弱	

30/40	有慢性病	
31	心血管病	
32	脑血管病	
33	慢性呼吸系统疾病	
34	慢性消化系统疾病	包括溃疡、肝炎和肝硬化
35	慢性肾炎	
36	结核病	
37	糖尿病	
38	神经或精神疾病	
41	癌症	
49	其它慢性病	
60	残疾	
61	视力残疾	
62	听力残疾	
63	语言残疾	
64	肢体残疾	
65	智力残疾	
66	精神残疾	
67	多重残疾	
69	其它残疾	
80*	传染病	
81*	病毒性传染病	
82*	细菌性传染病	
83*	螺旋体传染病	
84*	立克次体传染病	
85*	衣原体传染病	
86*	支原体传染病	
87*	真菌性传染病	
88*	寄生虫病	
89*	其它传染病	
99*	资料不详	

*为新增内容

表 6 人类遗传资源分类代码表

大类名称	小类代码	小类名称
疾病类遗传资源	ICD-10	国际疾病统计分类疾病遗传资源
正常人体资源	0000	

表 7 民族代码表

代码	民族民称	代码	民族名称
1	汉族	31	达斡尔族

2	蒙古族	32	仫佬族
3	回族	33	羌族
4	藏族	34	布朗族
5	维吾尔族	35	撒拉族
6	苗族	36	毛难族
7	彝族	37	仡佬族
8	壮族	38	锡伯族
9	布依族	39	阿昌族
10	朝鲜族	40	普米族
11	满族	41	塔吉克族
12	侗族	42	怒族
13	瑶族	43	乌孜别克族
14	白族	44	俄罗斯族
15	土家族	45	鄂温克族
16	哈尼族	46	德昂族
17	哈萨克族	47	保安族
18	傣族	48	裕固族
19	黎族	49	京族
20	傈僳族	50	塔塔尔族
21	佤族	51	独龙族
22	畲族	52	鄂伦春族
23	高山族	53	赫哲族
24	拉祜族	54	门巴族
25	水族	55	珞巴族
26	东乡族	56	基诺族
27	纳西族	57	未分类民族
28	景颇族		
29	柯尔克孜族		
30	土族	99	资料不详

表 8 籍贯代码表

代码	省市名称	代码	省市名称
11	北京市	44	广东省
12	天津市	45	广西壮族自治区
13	河北省	46	海南省
14	山西省	50	重庆市
15	内蒙古自治区	51	四川省
21	辽宁省	52	贵州省

22	吉林省	53	云南省
23	黑龙江省	54	西藏自治区
31	上海市	61	陕西省
32	江苏省	62	甘肃省
33	浙江省	63	青海省
34	安徽省	64	宁夏回族自治区
35	福建省	65	新疆维吾尔自治区
36	江西省	71	台湾省
37	山东省	81	香港特别行政区
41	河南省	82	澳门特别行政区
42	湖北省	99	不详
43	湖南省		

表 9 用途代码表

1	2	9
科学研究	临床治疗	其它

表 10 逻辑判断字段代码表*

1	2	9
是/有	否/无	不详

*血型资料、流行病学资料、诊断资料、治疗资料、随访资料、家系资料均以此代码表为准

表 11 样本保存条件代码表

1	2	3	4	5	9
常温	冷藏	低温冷冻 (低温)	超低温冷冻 (超低温)	液氮	其它

保存条件代码表补充说明:

冷藏: 2-8℃

低温冷冻: -20 到-40℃

超低温冷冻: -70 到-150℃

表 12 生物安全级别代码表

1	2	9
无传染性	有传染性	不详

表 13 科技项目类别/经费来源代码表

代码	项目类别
1	国家级科技计划（如“863”计划、“973”计划、国家科技攻关计划等）
2	省部级科技计划
3	国际合作项目
4	企业临床试验项目
5	无资助项目
9	其它

表 14 获取途径代码表

代码	1	2	3	4
途径	邮件	现场获取	网上订购	其它

9. 附录 B（参考性附录）：人类遗传资源描述示例表

表 15 人类遗传资源描述示例

护照信息			
平台资源号 (1)	1711C0001000000001	资源编号 (2)	171313231010 01013001
样本类型编码 (3)	B1021 新鲜组织基因组 DNA		
标记信息			
资源归类编码 (4)	17131323101		
性别 (5)	女	健康状况 (6)	癌症
资源分类 (7)	疾病资源—乳房恶性肿瘤, 乳房未特指 (Malignant neoplasm of breast /breast, unspecified)	民族 (8)	汉
籍贯 (9)	北京	出生年月 (10)	19601200
基本特征特性描述信息			
用途 (11)	科学研究	血型资料 (12)	无
流行病学资料 (13)	无	诊断资料 (14)	有
治疗资料 (15)	不详	随访资料 (16)	不详
样本采集日期 (17)	20000102	样本保存期限 (18)	永久保存
样本保存条件 (19)	冷冻	家系标本 (20)	无
生物安全级别 (21)	无传染性	其它补充说明 (22)	无
疾病别名 (23)	乳癌、乳腺肿瘤、乳腺癌		
其它描述信息			
图像 (24)	1711C00010000 00001. jpg	记录地址 (25)	http://www.chinapop.gov.cn /query.asp?平台资源号=1711C0001000000001
收藏单位信息			
保存地 (26)	北京	成果类别 (27)	无
科技项目类别/经费来源 (28)	其它		
实物状态 (29)	1: 可用 2: 不可用 3: 无实物		
共享信息			
共享方式 (30)	1: 公益性共享 2: 公益性借用共享 3: 合作研究共享 4: 知识产权性交易共享 5: 资源纯交易性共享 6: 资源租赁性共享 7: 资源交换性共享 8: 收藏地共享 9: 行政许可性共享		
获取途径 (31)	1: 邮件 2: 现场获取 3: 网上订购 4: 其它		
联系方式 (32)	彭左旗, 国家计生委科研所, 010-62176870, genetic@263.net.cn		
源数据主键 (33)	1711C0001000000001		